

FIG. 1

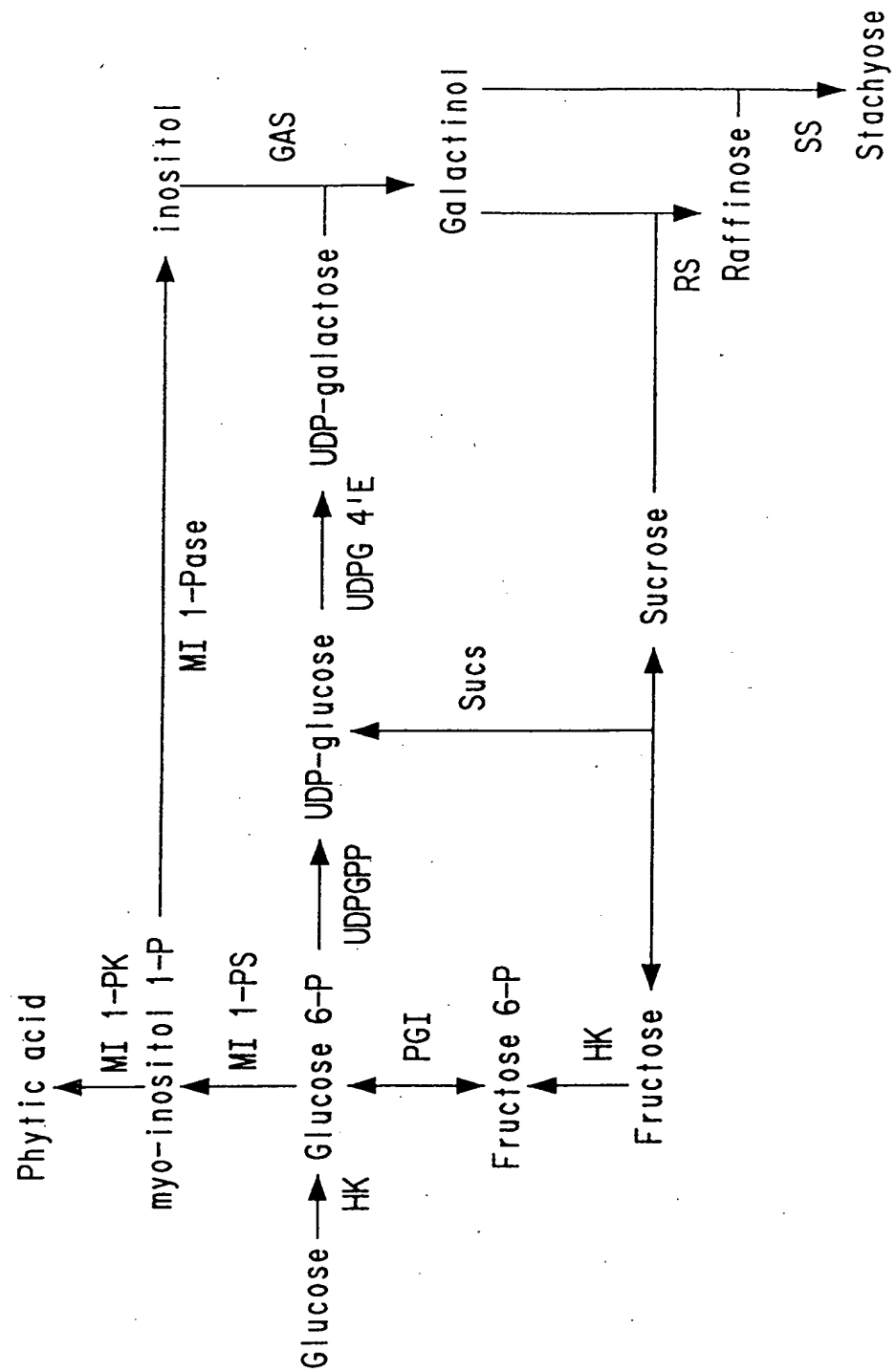


Figure 2

SEQ ID NO:1	1	ATGTTTCATCGAGAAATTTTAAGGTGAGTGTCTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT	60
SEQ ID NO:5		ATGTTTCATCGAGAAATTTTAAGGTGAGTGTCTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT	
SEQ ID NO:9		ATGTTTCATCGAGAAATTTTAAGGTGAGTGTCTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT	
SEQ ID NO:11		ATGTTTCATCGAGAAATTTTAAGGTGAGTGTCTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT	
SEQ ID NO:13		ATGTTTCATCGAGAAATTTTAAGGTGAGTGTCTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT	
SEQ ID NO:15		ATGTTTCATCGAGAAATTTTAAGGTGAGTGTCTAATGTGAAGTACACCGAGACTGAGATT	
SEQ ID NO:1	61	CAGTCCGTGTACAACACTACGAAACCCGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT	120
SEQ ID NO:5		CAGTCCGTGTACAACACTACGAAACCCGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT	
SEQ ID NO:9		CAGTCCGTGTACAACACTACGAAACCCGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT	
SEQ ID NO:11		CAGTCCGTGTACAACACTACGAAACCCGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT	
SEQ ID NO:13		CAGTCCGTGTACAACACTACGAAACCCGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT	
SEQ ID NO:15		CAGTCCGTGTACAACACTACGAAACCCGAACTTGTTCACGAGAACAGGAATGGCACCTAT	
SEQ ID NO:1	121	CAGTGGATTGTCAAACCCCAAATCTGTCAAATACGAATTTAAACCAACAATCCATGTTCCCT	180
SEQ ID NO:5		CAGTGGATTGTCAAACCCCAAATCTGTCAAATACGAATTTAAACCAACAATCCATGTTCCCT	
SEQ ID NO:9		CAGTGGATTGTCAAACCCCAAATCTGTCAAATACGAATTTAAACCAACAATCCATGTTCCCT	
SEQ ID NO:11		CAGTGGATTGTCAAACCCCAAATCTGTCAAATACGAATTTAAACCAACAATCCATGTTCCCT	
SEQ ID NO:13		CAGTGGATTGTCAAACCCCAAATCTGTCAAATACGAATTTAAACCAACAATCCATGTTCCCT	
SEQ ID NO:15		CAGTGGATTGTCAAACCCCAAATCTGTCAAATACGAATTTAAACCAACAATCCATGTTCCCT	
SEQ ID NO:1	181	AAATTAGGGGTAAATGCTTGTGGGTGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTACCCGGTGGT	240
SEQ ID NO:5		AAATTAGGGGTAAATGCTTGTGGGTGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTACCCGGTGGT	
SEQ ID NO:9		AAATTAGGGGTAAATGCTTGTGGGTGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTACCCGGTGGT	
SEQ ID NO:11		AAATTAGGGGTAAATGCTTGTGGGTGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTACCCGGTGGT	
SEQ ID NO:13		AAATTAGGGGTAAATGCTTGTGGGTGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTACCCGGTGGT	
SEQ ID NO:15		AAATTAGGGGTAAATGCTTGTGGGTGGGTGGAAACAACGGCTCAACCCCTACCCGGTGGT	

Figure 2 (cont.)

SEQ ID NO:1	241	GTTATTGCTAACCGAGAGGGCATTTCATGGGCTACAAAGGACAAGATTCAACAAGCCCAAT	300
SEQ ID NO:5		GTTATTGCTAACCGAGAGGGCATTTCATGGGCTACAAAGGACAAGATTCAACAAGCCCAAT	
SEQ ID NO:9		GTTATTGCTAACCGAGAGGGCATTTCATGGGCTACAAAGGACAAGATTCAACAAGCCCAAT	
SEQ ID NO:11		GTTATTGCTAACCGAGAGGGCATTTCATGGGCTACAAAGGACAAGATTCAACAAGCCCAAT	
SEQ ID NO:13		GTTATTGCTAACAGAGAGGGCATTTCATGGGCTACAAAGGACAAGATTCAACAAGCCCAAT	
SEQ ID NO:15		GTTATTGCTAACAGAGAGGGCATTTCATGGGCTACAAAGGACAAGATTCAACAAGCCCAAT	
SEQ ID NO:1	301	TACTTTGGCTCCCTCACCCAAGCCTCAGCTATCCGAGTTGGTCCCTCCAGGGAGAGGAA	360
SEQ ID NO:5		TACTTTGGCTCCCTCACCCAAGCCTCAGCTATCCGAGTTGGTCCCTCCAGGGAGAGGAA	
SEQ ID NO:9		TACTTTGGCTCCCTCACCCAAGCCTCAGCTATCCGAGTTGGTCCCTCCAGGGAGAGGAA	
SEQ ID NO:11		TACTTTGGCTCCCTCACCCAAGCCTCAGCTATCCGAGTTGGTCCCTCCAGGGAGAGGAA	
SEQ ID NO:13		TACTTTGGCTCCCTCACCCAAGCCTCAGCTATCCGAGTTGGTCCCTCCAGGGAGAGGAA	
SEQ ID NO:15		TACTTTGGCTCCCTCACCCAAGCCTCAGCTATCCGAGTTGGTCCCTCCAGGGAGAGGAA	
SEQ ID NO:1	361	ATCTATGCCCCATTCAAGAGCCTGCTTCCAATGGTTAAACCTGACGACATTGTGTTGGG	420
SEQ ID NO:5		ATCTATGCCCCATTCAAGAGCCTGCTTCCAATGGTTAAACCTGACGACATTGTGTTGGG	
SEQ ID NO:9		ATCTATGCCCCATTCAAGAGCCTGCTTCCAATGGTTAAACCTGACGACATTGTGTTGGG	
SEQ ID NO:11		ATCTATGCCCCATTCAAGAGCCTGCTTCCAATGGTTAAACCTGACGACATTGTGTTGGG	
SEQ ID NO:13		ATCTATGCCCCATTCAAGAGCCTGCTTCCAATGGTTAAACCTGACGACATTGTGTTGGG	
SEQ ID NO:15		ATCTATGCCCCATTCAAGAGCCTGCTTCCAATGGTTAAACCTGACGACATTGTGTTGGG	
SEQ ID NO:1	421	GGATGGGATATCAGCAACATGAACCTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTTGAC	480
SEQ ID NO:5		GGATGGGATATCAGCAACATGAACCTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTTGAC	
SEQ ID NO:9		GGATGGGATATCAGCAACATGAACCTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTTGAC	
SEQ ID NO:11		GGATGGGATATCAGCAACATGAACCTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTTGAC	
SEQ ID NO:13		GGATGGGATATCAGCAACATGAACCTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTTGAC	
SEQ ID NO:15		GGATGGGATATCAGCAACATGAACCTGGCTGATGCCATGGCCAGGGCAAAGGTGTTTGAC	

Figure 2 (cont.)

481	SEQ ID NO:1	ATCGATTTCAGAACGAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCGGAATC	540
	SEQ ID NO:5	ATCGATTTCAGAACGAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCGGAATC	
	SEQ ID NO:9	ATCGATTTCAGAACGAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCGGAATC	
	SEQ ID NO:11	ATCGATTTCAGAACGAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCGGAATC	
	SEQ ID NO:13	ATCGATTTCAGAACGAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCGGAATC	
	SEQ ID NO:15	ATCGATTTCAGAACGAGTTGAGGCCCTTACATGGAATCCATGCTTCCACTCCCGGAATC	
541	SEQ ID NO:1	TATGACCCGGATTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCAAACAACGTCATCAAGGGC	600
	SEQ ID NO:5	TATGACCCGGATTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCAAACAACGTCATCAAGGGC	
	SEQ ID NO:9	TATGACCCGGATTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCAAACAACGTCATCAAGGGC	
	SEQ ID NO:11	TATGACCCGGATTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCAAACAACGTCATCAAGGGC	
	SEQ ID NO:13	TATGACCCGGATTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCAAACAACGTCATCAAGGGC	
	SEQ ID NO:15	TATGACCCGGATTTCATTGCTGCCAACCAAGAGGAGCGTGCCAAACAACGTCATCAAGGGC	
601	SEQ ID NO:1	ACAAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC	660
	SEQ ID NO:5	ACAAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC	
	SEQ ID NO:9	ACAAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC	
	SEQ ID NO:11	ACAAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC	
	SEQ ID NO:13	ACAAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC	
	SEQ ID NO:15	ACAAAGCAAGAGCAAGTTCAACAAATCATCAAAGACATCAAGGCGTTTAAGGAAGCCACC	
661	SEQ ID NO:1	AAAGTGGACAAAGTGGTTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTGGTT	720
	SEQ ID NO:5	AAAGTGGACAAAGTGGTTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTGGTT	
	SEQ ID NO:9	AAAGTGGACAAAGTGGTTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTGGTT	
	SEQ ID NO:11	AAAGTGGACAAAGTGGTTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTGGTT	
	SEQ ID NO:13	AAAGTGGACAAAGTGGTTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTGGTT	
	SEQ ID NO:15	AAAGTGGACAAAGTGGTTGTACTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTACAGTAATTGGTT	

Figure 2 (cont.)

SEQ ID NO:1	721	GTGGGCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG	780
SEQ ID NO:5		GTGGGCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG	
SEQ ID NO:9		GTGGGCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG	
SEQ ID NO:11		GTAGGCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG	
SEQ ID NO:13		GTAGGCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG	
SEQ ID NO:15		GTAGGCTTAATGACACCATGGAGAATCTCTTGGCTGCTGTGGACAGAAATGAGGCTGAG	
SEQ ID NO:1	781	ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT	840
SEQ ID NO:5		ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT	
SEQ ID NO:9		ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT	
SEQ ID NO:11		ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT	
SEQ ID NO:13		ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT	
SEQ ID NO:15		ATTTCTCCTTCCACCTTGATGCCATTGCTTGTGTATGGAATAATGTTCTTTTCATTAAT	
SEQ ID NO:1	841	GGAAGCCCTCAGAACACTTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT	900
SEQ ID NO:5		GGAAGCCCTCAGAACACTTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT	
SEQ ID NO:9		GGAAGCCCTCAGAACACTTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT	
SEQ ID NO:11		GGAAGCCCTCAGAACACTTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT	
SEQ ID NO:13		GGAAGCCCTCAGAACACTTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT	
SEQ ID NO:15		GGAAGCCCTCAGAACACTTTTGTACCAGGGCTGATTGATCTTGCCATCGCGAGGAACACT	
SEQ ID NO:1	901	TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCACCAAAATGAAATCTGTGTGGTTGAT	960
SEQ ID NO:5		TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCACCAAAATGAAATCTGTGTGGTTGAT	
SEQ ID NO:9		TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCACCAAAATGAAATCTGTGTGGTTGAT	
SEQ ID NO:11		TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCACCAAAATGAAATCTGTGTGGTTGAT	
SEQ ID NO:13		TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCACCAAAATGAAATCTGTGTGGTTGAT	
SEQ ID NO:15		TTGATTGGTGGAGATGACTTCAAGAGTGGTCAGACCACCAAAATGAAATCTGTGTGGTTGAT	
SEQ ID NO:1	961	TTCTTTGTGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC	1020
SEQ ID NO:5		TTCTTTGTGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC	
SEQ ID NO:9		TTCTTTGTGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC	
SEQ ID NO:11		TTCTTTGTGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC	
SEQ ID NO:13		TTCTTTGTGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC	
SEQ ID NO:15		TTCTTTGTGGGGCTGGTATCAAGCCCAACATCTATAGTCAGTTACAACCATCTGGGAAAC	

Figure 2 (cont.)

SEQ ID NO:1	1021	AATGATGGTATGAATCTTTCCGGCTCCACAACATTTCCGTTCCAAGAAATCTCCAAGAGC	1080
SEQ ID NO:5		AATGATGGTATGAATCTTTCCGGCTCCACAACATTTCCGTTCCAAGAAATCTCCAAGAGC	
SEQ ID NO:9		AATGATGGTATGAATCTTTCCGGCTCCACAACATTTCCGTTCCAAGAAATCTCCAAGAGC	
SEQ ID NO:11		AATGATGGTATGAATCTCTCGGCTCCACAACATTTCCGTTCCAAGAAATCTCCAAGAGC	
SEQ ID NO:13		AATGATGGTATGAATCTCTCGGCTCCACAACATTTCCGTTCCAAGAAATCTCCAAGAGC	
SEQ ID NO:15		AATGATGGTATGAATCTCTCGGCTCCACAACATTTCCGTTCCAAGAAATCTCCAAGAGC	
SEQ ID NO:1	1081	AACGTTGTTGATGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCCTGGTGAACATCCA	1140
SEQ ID NO:5		AACGTTGTTGATGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCCTGGTGAACATCCA	
SEQ ID NO:9		AACGTTGTTGATGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCCTGGTGAACATCCA	
SEQ ID NO:11		AACGTTGTTGATGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCCTGGTGAACATCCA	
SEQ ID NO:13		AACGTTGTTGATGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCCTGGTGAACATCCA	
SEQ ID NO:15		AACGTTGTTGATGATATGGTCAACAGCAATGCCATCCTCTATGAGCCTGGTGAACATCCA	
SEQ ID NO:1	1141	GACCATGTTGTTGTTATTAAATGATGTGCCTTACGTAGGGGACAGCAAGAGAGCCCATGGAT	1200
SEQ ID NO:5		GACCATGTTGTTGTTATTAAATGATGTGCCTTACGTAGGGGACAGCAAGAGAGCCCATGGAT	
SEQ ID NO:9		GACCATGTTGTTGTTATTAAATGATGTGCCTTACGTAGGGGACAGCAAGAGAGCCCATGGAT	
SEQ ID NO:11		GACCATGTTGTTGTTATTAAATGATGTGCCTTACGTAGGGGACAGCAAGAGAGCCCATGGAT	
SEQ ID NO:13		GACCATGTTGTTGTTATTAAATGATGTGCCTTACGTAGGGGACAGCAAGAGAGCCCATGGAT	
SEQ ID NO:15		GACCATGTTGTTGTTATTAAATGATGTGCCTTACGTAGGGGACAGCAAGAGAGCCCATGGAT	
SEQ ID NO:1	1201	GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGTGGAAAGAGCACCATTTGTTGCACAACACATGC	1260
SEQ ID NO:5		GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGTGGAAAGAGCACCATTTGTTGCACAACACATGC	
SEQ ID NO:9		GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGTGGAAAGAGCACCATTTGTTGCACAACACATGC	
SEQ ID NO:11		GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGTGGAAAGAGCACCATTTGTTGCACAACACATGC	
SEQ ID NO:13		GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGTGGAAAGAGCACCATTTGTTGCACAACACATGC	
SEQ ID NO:15		GAGTACACTTCAGAGATATTTCATGGTGGAAAGAGCACCATTTGTTGCACAACACATGC	

Figure 2 (cont.)

SEQ ID NO:1	1261	GAGGATTCCCTCTTAGCTGCTCCATTATCTTGGACTTGGTCCCTCTTGTCTGAGCTCAGC	1320
SEQ ID NO:5		GAGGATTCCCTCTTAGCTGCTCCATTATCTTGGACTTGGTCCCTCTTGTCTGAGCTCAGC	
SEQ ID NO:9		GAGGATTCCCTCTTAGCTGCTCCATTATCTTGGACTTGGTCCCTCTTGTCTGAGCTCAGC	
SEQ ID NO:11		GAGGATTCCCTCTTAGCTGCTCCATTATCTTGGACTTGGTCCCTCTTGTCTGAGCTGAGC	
SEQ ID NO:13		GAGGATTCCCTCTTAGCTGCTCCATTATCTTGGACTTGGTCCCTCTTGTCTGAGCTGAGC	
SEQ ID NO:15		GAGGATTCCCTCTTAGCTGCTCCATTATCTTGGACTTGGTCCCTCTTGTCTGAGCTGAGC	
SEQ ID NO:1	1321	ACTAGAATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGAAAAATTCCACTCATTCACACCCAGTTGCT	1380
SEQ ID NO:5		ACTAGAATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGAAAAATTCCACTCATTCACACCCAGTTGCT	
SEQ ID NO:9		ACTAGAATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGAAAAATTCCACTCATTCACACCCAGTTGCT	
SEQ ID NO:11		ACTAGAATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGAAAAATTCCACTCATTCACACCCAGTTGCT	
SEQ ID NO:13		ACTAGAATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGAAAAATTCCACTCATTCACACCCAGTTGCT	
SEQ ID NO:15		ACTAGAATCGAGTTTAAAGCTGAAATGAGGAAAAATTCCACTCATTCACACCCAGTTGCT	
SEQ ID NO:1	1381	ACCATCTCAGCTACCTCACCAGGCTCCTCTGGTTCCACCGGGTACACCAGTGGTGAAT	1440
SEQ ID NO:5		ACCATCTCAGCTACCTCACCAGGCTCCTCTGGTTCCACCGGGTACACCAGTGGTGAAT	
SEQ ID NO:9		ACCATCTCAGCTACCTCACCAGGCTCCTCTGGTTCCACCGGGTACACCAGTGGTGAAT	
SEQ ID NO:11		ACCATCTCAGCTATCTGACCAAGGCTCCTCTGGTTCCACCGGGTACACCAGTGGTGAAT	
SEQ ID NO:13		ACCATCTCAGCTATCTGACCAAGGCTCCTCTGGTTCCACCGGGTACACCAGTGGTGAAT	
SEQ ID NO:15		ACCATCTCAGCTATCTGACCAAGGCTCCTCTGGTTCCACCGGGTACACCAGTGGTGAAT	
SEQ ID NO:1	1441	GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGAAAAACATAATGAGGGCTTGTGTGGATTGGCC	1500
SEQ ID NO:5		GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGAAAAACATAATGAGGGCTTGTGTGGATTGGCC	
SEQ ID NO:9		GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGAAAAACATAATGAGGGCTTGTGTGGATTGGCC	
SEQ ID NO:11		GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGAAAAACATAATGAGGGCTTGTGTGGATTGGCC	
SEQ ID NO:13		GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGAAAAACATAATGAGGGCTTGTGTGGATTGGCC	
SEQ ID NO:15		GCATTGTCAAAGCAGCGTGCAATGCTGAAAAACATAATGAGGGCTTGTGTGGATTGGCC	
SEQ ID NO:1	1501	CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA	1533
SEQ ID NO:5		CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA	
SEQ ID NO:9		CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA	
SEQ ID NO:11		CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA	
SEQ ID NO:13		CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA	
SEQ ID NO:15		CCAGAGAATAACATGATTCTCGAGTACAAGTGA	

Figure 3 (cont.)

241	SEQ ID NO:2	VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT	300
	SEQ ID NO:6	VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT	
	SEQ ID NO:10	VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT	
	SEQ ID NO:12	VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT	
	SEQ ID NO:14	VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT	
	SEQ ID NO:16	VGLNDTMENLLAAVDRNEAEISPTLYAIACVMENVPFINGSPQNTFVPGGLIDLAIARNT	
301	SEQ ID NO:2	LIGDDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTISVYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS	360
	SEQ ID NO:6	LIGDDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTISVYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS	
	SEQ ID NO:10	LIGDDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTISVYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS	
	SEQ ID NO:12	LIGDDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTISVYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS	
	SEQ ID NO:14	LIGDDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTISVYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS	
	SEQ ID NO:16	LIGDDDFKSGQTKMKSVLVDFLVGAGIKPTISVYNHLGNNDGMNLSAPQTFRSKEISKS	
361	SEQ ID NO:2	NVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPVGD SKRAMDEYTSEIFMGGKSTIVLHNTC	420
	SEQ ID NO:6	NVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPVGD SKRAMDEYTSEIFMGGKSTIVLHNTC	
	SEQ ID NO:10	NVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPVGD SKRAMDEYTSEIFMGGKSTIVLHNTC	
	SEQ ID NO:12	NVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPVGD SKRAMDEYTSEIFMGGKSTIVLHNTC	
	SEQ ID NO:14	NVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPVGD SKRAMDEYTSEIFMGGKSTIVLHNTC	
	SEQ ID NO:16	NVDDMVNSNAILYEPGEHPDHVVVIKYVPVGD SKRAMDEYTSEIFMGGKSTIVLHNTC	
421	SEQ ID NO:2	EDSLLAAPIIIDLVLAEELSTRIEFKAENEKGFSFHPVATILSYLTAKAPLVPPGTPVFN	480
	SEQ ID NO:6	EDSLLAAPIIIDLVLAEELSTRIEFKAENEKGFSFHPVATILSYLTAKAPLVPPGTPVFN	
	SEQ ID NO:10	EDSLLAAPIIIDLVLAEELSTRIEFKAENEKGFSFHPVATILSYLTAKAPLVPPGTPVFN	
	SEQ ID NO:12	EDSLLAAPIIIDLVLAEELSTRIEFKAENEKGFSFHPVATILSYLTAKAPLVPPGTPVFN	
	SEQ ID NO:14	EDSLLAAPIIIDLVLAEELSTRIEFKAENEKGFSFHPVATILSYLTAKAPLVPPGTPVFN	
	SEQ ID NO:16	EDSLLAAPIIIDLVLAEELSTRIEFKAENEKGFSFHPVATILSYLTAKAPLVPPGTPVFN	
481	SEQ ID NO:2	ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK	511
	SEQ ID NO:6	ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK	
	SEQ ID NO:10	ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK	
	SEQ ID NO:12	ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK	
	SEQ ID NO:14	ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK	
	SEQ ID NO:16	ALSKQRAMLENIMRACVGLAPENNMILEYK	